

في هذه الدراسة تم تحليل المناطق الجينومية SUTRS للفيروسات التاجية فيما يتعلق باختلافات التسلسل النيكلوتيدي ومكوناته وكذلك أنماط العلاقة التطورية الوراثة. أظهرت الدراسة وجود ثلاثة سترات محفوظة ذات تتابع نيوكليوتيدي طويل في تلك المنطقة كالاتي: nt61 to nt107 من بينهم السترة (1) إلى (107) ذات التتابع النيكلوتيدي nt262 to nt277 و ايضا nt211236 nt107 الطويل بها ما يقرب من نصف تسلسل (int leader sequence) إلى (193) مما يؤكد وجود هذا التسلسل في الجينوم الفيروسي كما أظهرت ايضا معظم أن المحتوى النيكلوتيدي للمنطقة (5UTR) من الأدينين (AT) ثيامين) مقارنة بالجوانين / سيتوسين (GC)، والذي ربما يكون اساسيا للنشاط الفيروسي و نسخه المتماثل. بينت الدراسة الاختلاف في حجم مناطق SUTRS للفيروسات التاجية المدروسة من حيث التتابع النيكلوتيدي