

فى هذه الدراسة تم تحليل المناطق الجينومية للفيروسات التاجية فيما يتعلق باختلافات التسلسل UTRs' النيكليوتيدى ومكوناته و كذلك أنماط العلاقة التطورية الوراثة. (محفوطة بدرجة كبيرة داخل المادة الوراثة الفيروسية و الواضح بين 5'UTRs) أوضحت الدراسة ان تلك المناطق . كما اشارت لاحتواء تلك المناطق لمواقع متغيرة من التتابع النيكليوتيدى ، الفيروسات وثيقة الصلة nt61 to أظهرت الدراسة وجود ثلاثة سترات محفوظة ذات تتابع نيوكليوتيدى طويل فى تلك المنطقة كالاتى: 61، 6، nt107، (، من بينهم السترة nt262 to nt277 و ايضا nt23- nt211) ذات التتابع النيكليوتيدى nt107 إلى nt الطويل بها ما يقرب من نصف تسلسل 61 leader sequence) مما يؤك د وجود هذا التسلسل فى الجينوم nt93 إلى nt الفيروسى. كما اظهرت ايضا 5 (معظم ان المحتوى النيكليوتيدى للمنطقة /) من الآدينين UTR' (ثيامين) مقارنة AT)، والذي ربما يكون أساسيا للنشاط الفيروسى و نسخه المتماثل. GC بالجوانين/سيتوسين)