

في هذه الدراسة تم تحليل المناطق الجينومية UTRS للفيروسات التاجية فيما يتعلق باختلافات التسلسل النيكلوتيدي ومكوناته وكذلك أنماط العلاقة التطورية الوراثية. أوضحت الدراسة أن تلك المناطق (UTRs) محفوظة بدرجة كبيرة داخل المادة الوراثية الفيروسية والواضحة بين الفيروسات وثيقة الصلة، كما أشارت لاحتواء تلك المناطق المواقع متغيرة من التتابع النيكلوتيدي. أظهرت الدراسة وجود ثلاثة سترات محفوظة ذات تتابع نيوكليوتيدي طويل في تلك المنطقة كالاتي: nt61 to من بينهم السترة (61) إلى (107) ذات التتابع النيكلوتيدي nt277 211 nt262 و أيضا -nt107 -nt236 الطويل بها ما يقرب من نصف تسلسل (Int leader sequence) إلى (193) مما يؤكد وجود هذا التسلسل في الجينوم الفيروسي كما اظهرت ايضا معظم أن المحتوى النيكلوتيدي للمنطقة (5UTR) من الأدينين (AT) تيامين مقارنة بالجوانين / سيتوسين (GC)، والذي ربما يكون أساسيا للنشاط الفيروسي و نسخه المتماثل.