

62 géniteurs d'able de fontaine ont été génotypés, révélant six allèles du CMHII (DAB-0101 à DAB-0601) par SSCP. Quatre allèles ont eu leur séquence codante complète isolée par RT-PCR, tandis que les séquences de l'exon 2 des deux autres ont été obtenues par PCR sur ADN génomique. 1500 descendants, issus de 25 familles, ont subi une infection par *Aeromonas salmonicida** (immersion 10 min, 10⁶ bactéries/ml). La survie a été surveillée sur 90 heures (mesures toutes les 4 heures) à 18°C et 50% d'oxygène.