

للفيروسات التاجية فيما يتعلق باختلافات التسلسل النيكلوتيدي ومكوناته SUTRS في هذه الدراسة تم تحليل المناطق الجينومية وكذلك أنماط العلاقة التطورية الوراثية. أظهرت الدراسة وجود ثلاثة سترات محفوظة ذات تتابع نيوكليوتيدي طويل في تلك nt107 nt211236 و ايضا nt262 tont277 من بينهم السترة (1) إلى (107) ذات التتابع النيكلوتيدي nt61 to: المنطقة كالاتي إلى (193) مما يؤكد وجود هذا التسلسل في الجينوم الفيروسي (int leader sequence) الطويل بها ما يقرب من نصف تسلسل ثيامين) مقارنة بالجوانين / سيتوسين (AT من الأدينين (UTR كما أظهرت أيضا معظم أن المحتوى النيكلوتيدي للمنطقة (5 SUTRS والذي ربما يكون أساسيا للنشاط الفيروسي و نسخه المتماثل. بينت الدراسة الاختلاف في حجم مناطق (GC) للفيروسات التاجية المدروسة من حيث التتابع النيكلوتيدي