

النكليوتيدى ومكوناته و'UTRs فى هذه الدراسة تم تحليل المناطق الجينومية للفيروسات التاجية فيما يتعلق باختلافات التسلسل أوضحت (UTRs) كذلك أنماط العلاقة التطورية الوراثة. (محفظة بدرجة كبيرة داخل المادة الوراثية الفيروسية و الواضح بين 5 الدراسة ان تلك المناطق . كما اشارت لاحتواء تلك المناطق لمواقع متغيرة من التتابع النكليوتيدى ، الفيروسات وثيقة الصلة ، (nt107، 6 61 : أظهرت الدراسة وجود ثلاثة سترات محفوظة ذات تتابع نيوكليوتيدى طويل فى تلك المنطقة كالآتى nt61 to الطويل بها ما يقرب من nt إلى nt107 ذات التتابع النكليوتيدى (nt23- nt211 و ايضا nt262 to nt277 من بينهم السترة الفيروسي. كما اظهرت ايضا' nt إلى nt93 مما يؤك د وجود هذا التسلسل في الجينوم (61) leader sequence نصف تسلسل والذي ربما يكون اساسيا للنشاط ، (AT ثيامين) مقارنة) UTR '5 (معظم ان المحتوى النكليوتيدى للمنطقة /) من الآدينين) بالجوانين/سيتوسين GC. الفيروسي و نسخه المتماثل