استرجاع المعلوماتية الحيوية12 توفر المعلوماتية الحيوية الكم الهائل من البيانات /: Bioinformatics Retrieval Systems المخزونة ف قواعد البيانات ويكون ف كثير من الأحيان استرجاع هذه البيانات لأغراض شتى، وبخاصة استرجاع التواليات والتعرف على التواليات من حيث موقعها في الجين أو وظيفتها أو أية معلومات موجودة ضمن عملية التهميش المرافقة للتواليات، ويعد استرجاع البيانات من المهام الرئيسة المنوطة بها المعلوماتية الحيوية سواء البيانات الأولية (التواليات) أو البيانات الوصفية، يمكن تلخيص بعضها فيما يلي: 260تنظيم وإدارة المعلوماتية الحيوية في علوم المكتبات والمعلومات فالنهايات الصغرى من البيانات الوصفية تختلف من مؤسسة لأخرى. ـ اللغة المستعملة في البحث ليست قياسية، فالإنكليزية تعني الإعلان ووسائله فـMedia( ):تفسير الاختصارت اللغوية أحيانا بشكل خاطئ، فمثلا –)Colour ، الأمريكية تكتب (اللون العموم، لذلك لابد من وجود بيانات وصفية إضافية تمكن الحاسب من إرجاع الكلمات المستعملة ضمن النطاق المطلوب. وعند استخدام استعلامات معقدة ف قاعدة ما، البحث، حيث إن أغلب قواعد البيانات البيولوجية تستعمل بعض هذه العلاقات الجبرية. لاسترجاع البيانات يمثل نقطة البداية فـEntrez نماذج من أنظمة البحث واسترجاع البيانات بقواعد المعلومات الحيوية: نظام فضلا عن قواعد بياناتة الإنتاج الفكري مثل . لذلك لا يحتاجDNA, Proteins حيث يعملNCBI ، البحث ف قواعد معلومات التواليات، والجينومات (EBI) SRS retrieval system EMBLNEW (المستخدم عند البحث الولوج إلى قاعد بيانات بعينها، 2 الكاملة (المحدد تواليها، فضلا عن إمكانيات إلخ. وبطبيعة الحال يتيح النظام إمكانية الربط التشعبي لنتائج البحث من خارج وبخاصة بالمركزEMIBL format النظام الأوربي . وينتج نظام الاسترجاع هذا صيغ ملفات تعرفإبراهيم صبري المتولي 261بـ الأوربى تحوي معلومات تخص التواليات المستعلم عنها، وهناك العديد من الصيغ التي يمكن أن تخص كل قاعدة بيانات أو برنامج سيتم الإشارة اليها لاحً قا. الإرشادات التي تساعد في عمليات البحث بقواعد المعلوماتية الحيوية: ـ ترجمة تواليات إلى تواليات البروتين ثم البحث عن الأخيرة ف قواعد البروتينات، بدً لا من البحث مباشرة بتواليات ، ـ البحث ف أكثر منDNA قاعدة بيانات أو برنامج للوصول إلى نتائج معينة. ثم الانتقال إلى وسائل البحث الدقيقة.

Summarized by © lakhasly.com