

للفيروسات التاجية فيما يتعلق باختلافات التسلسل النيكلوتيدي ومكوناته UTRS في هذه الدراسة تم تحليل المناطق الجينومية محفوظة بدرجة كبيرة داخل المادة الوراثية (UTRs) وكذلك أنماط العلاقة التطورية الوراثية. أوضحت الدراسة أن تلك المناطق الفيروسية والواضحة بين الفيروسات وثيقة الصلة، كما اشارت لاحتواء تلك المناطق المواقع متغيرة من التتابع من بينهم 61 to nt: النيكلوتيدي. أظهرت الدراسة وجود ثلاثة سترات محفوظة ذات تتابع نيوكليوتيدي طويل في تلك المنطقة كالآتي الطويل بها ما يقرب من نصف -nt107 -nt236- و ايضا 211 277 tont nt262 السترة (61) إلى (107) ذات التتابع النيكلوتيدي إلى (193) مما يؤكد وجود هذا التسلسل في الجينوم الفيروسي كما اظهرت ايضا معظم أن (Int leader sequence) تسلسل والذي ربما يكون أساسيا، (GC) تيامين) مقارنة بالجوانين / سيتوسين (AT من الأدينين) UTR المحتوى النيكلوتيدي للمنطقة (5) للنشاط الفيروسي و نسخه المتماثل.